



# S4 Outils d'analyse de séquences nucléiques (BBM-209)



Niveau d'étude  
BAC +2



ECTS  
3 crédits



Composante  
UFR Sciences  
Vie Terre  
Environnement

## Présentation

---

### Description

Ce module participe pour l'élaboration d'une spécialité en

BEE (Biodiversité, Ecologie, Evolution)

#### Programme :

##### Cours magistraux

Notion de gène au niveau moléculaire : annotation de gène, de la séquence nucléique à la protéine.

Bases de données de séquence et de génomes# : état des lieux et exploitations pour les espèces modèles et non modèle (Genbank, BOLD)

Bases théoriques de l'alignement : BLAST, FASTA, CLUSTAL (2h).

##### Travaux pratiques :

Sexage moléculaire par PCR de flamants roses dans un but de conservation des espèces

Structuration du gène polymorphe utilisé, analyse dans différents génomes d'oiseaux

---

### Objectifs

Cette UE a pour objectif de proposer les concepts et les outils nécessaires à l'analyse de la structure des gènes, connaissances nécessaires aux UE d'évolution et de phylogénie moléculaires



---

## Heures d'enseignement

CM	Cours Magistral	6h
TD	Travaux Dirigés	11h
TP	Travaux Pratiques	8h

---

## Syllabus

Bloc 4 : ANALYSER LES DONNEES

## Infos pratiques

---

### Campus

➤ [Campus de Dijon](#)