S4 OSEAN Outils d'analyse de séquences nucléiques (BBM-209)

Niveau d'étude
BAC +2

ECTS
3 crédits

Composante
UFR Sciences Vie Terre Environnement

Présentation

Description

Ce module participe pour l'élaboration d'une spécialité en

BEE (Biodiversité, Ecologie, Evolution)

Programme :

Cours magistraux

Notion de gène au niveau moléculaire : annotation de gène, de la séquence nucléique à la protéine.

Bases de données de séquence et de génomes#: état des lieux et exploitations pour les espèces modèles et non modèle (Genbank, BOLD)

Bases théoriques de l’alignement : BLAST, FASTA, CLUSTAL (2h).

Travaux pratiques :

Sexage moléculaire par PCR de flamants roses dans un but de conservation des espèces

Structuration du gène polymorphe utilisé, analyse dans différents génomes d’oiseaux

Objectifs

Cette UE a pour objectif de proposer les concepts et les outils nécessaires à l’analyse de la structure des gènes, connaissances nécessaires aux UE d’évolution et de phylogénie moléculaires

Heures d'enseignement

CM	Cours Magistral	6h
TD	Travaux Dirigés	11h
TP	Travaux Pratiques	8h

Syllabus

Bloc 4 : ANALYSER LES DONNEES

Modalités de contrôle des connaissances

Évaluation initiale / Session principale - Épreuves

Type d'évaluation	Nature de l'épreuve	Durée (en minutes)	Nombre d'épreuves	Coefficient de l'épreuve	Note éliminatoire de l'épreuve	Remarques
CC (contrôle continu)	CC : Ecrit et/ou Oral			2		
CT (contrôle terminal)	Ecrit sur table			1		

Seconde chance / Session de rattrapage - Épreuves

Type d'évaluation	Nature de l'épreuve	Durée (en minutes)	Nombre d'épreuves	Coefficient de l'épreuve	Note éliminatoire de l'épreuve	Remarques
CT (contrôle terminal)	Ecrit sur table			1		

Infos pratiques

Campus

- Campus de Dijon